

Projet DevOCGen

PROGRAMME Semaine de restitution

1-4 décembre 2025

Faculté de médecine de Montpellier
(Bâtiment historique, 2 rue de l'École de médecine)



LUNDI 1 DÉCEMBRE 2025 (9h - 17h, amphithéâtre d'anatomie)

RESTITUTION GENERALE DU PROJET (programme provisoire en construction)

9h	<i>Accueil</i>
9h15	Contexte et objectifs initiaux du projet :
9h45	Simon Boitard & Raphaël Leblois
9h45	Résumé des principaux résultats obtenus et programme de la semaine :
10h	Simon Boitard & Raphaël Leblois
10h	Résultats obtenus concernant l'Haplotagging :
10h30	Pierre-Alexandre Gagnaire & Cathy Liautard-Haag
10h30	<i>Pause-café *</i>
11h	Résultats obtenus concernant la centaurée de la Clape :
11h45	Pierre-Alexandre Gagnaire & Océane Eychenne
11h45	Présentation de projets en génomique de la conservation par le bureau d'étude LDgenX : Emilie Delpuech & Maeva Leitwein
	Discussion sur les liens entre secteur académique et acteurs-trices de la conservation.
12h30	<i>Pause déjeuner *</i>
14h	Résultats obtenus concernant le lézard vivipare :
14h45	Elise Gay & Louna Cohu Puel
14h45	Résultats obtenus concernant l'inférence de la fragmentation et perspectives pour l'étude du goujon occitan : Rémi Tournebize
15h30	<i>Pause-café *</i>
16h	Inférence de la démographie et de la sélection à partir de données génomiques temporelles : Simon Boitard
16h30	Perspectives pour l'étude du lézard Pyrénéen :
16h45	Raphaël Leblois & Pierre-André Crochet
16h45	Perspectives et discussion générale :
17h30	Simon Boitard & Raphaël Leblois

* Les pauses café et le buffet seront servis en salle Dugès.

MARDI 2 DÉCEMBRE 2025

ATELIERS (salle Bonnaventure Laurens)

9h - 12h | « Inférence de la démographie et de la sélection à l'aide de données génomiques temporelles »

Contenu : exposé introductif et initiation à l'outil SelNeTime (théorie et pratique).

Intervenants : *Simon Boitard, Bertrand Servin, Mathieu Uhl, Paul Bunel, Miguel de Navascués*

14h - 17h | Libre, atelier finalement annulé

MERCREDI 3 DÉCEMBRE 2025

ATELIERS (salle Bonnaventure Laurens)

9h - 12h | « Utilisation des segments IBD (Identity by Descent) pour les inférences démographiques temporelles et spatiales »

Contenu : exposé théorique introductif, mise en pratique à partir d'un notebook s'appuyant sur des données simulées.

Intervenant.e.s : *Pierre-Alexandre Gagnaire, Océane Eychenne, Romain Pechey*

14h - 17h | « Caractérisation des segments IBD à l'aide de l'outil RZooROH »

Contenu : présentation du modèle RZooROH et de ses applications, mise en pratique sur plusieurs jeux de données.

Intervenants : *Mathieu Gautier, Tom Druet, Pierre Faux*

JEUDI 4 DÉCEMBRE 2025

ATELIERS (salle Bonnaventure Laurens)

9h - 12h | « Vous avez dit taille efficace ? »

Contenu : présentation de différentes méthodes d'estimation des variations passées de la taille efficace et réflexion sur l'interprétation et l'utilisation possible des résultats issus de ces méthodes.

Intervenant.e.s : *Lounès Chikhi, Camille Steux, Raphaël Leblois*

14h - 17h | « Retour d'expérience sur l'haplotagging ».

Contenu : Description de la méthode, points clés en biologie moléculaire et bioinformatique, bilan comparatif des résultats obtenus sur différents jeux de données, recommandations et discussion en vue d'utilisations futures.

Intervenant.e.s : *Pierre-Alexandre Gagnaire, Cathy Liautard-Haag, Simon Boitard, Elise Gay*