

# Plan de l'exposé

- 1 Contexte et objectifs
- 2 Principaux résultats
- 3 Conclusions et perspectives**

- Plusieurs nouvelles méthodes & packages pour l'inférence à partir de données génomiques.
- Haplotagging maîtrisé à Genseq et déjà diffusé, optimisations en biologie moléculaire et bio-informatique en cours.
- Grands échantillons de génomes produits (ou presque) pour 5 espèces d'intérêt en Occitanie.
- Encore beaucoup de travail pour analyser ces données et explorer leur intérêt pour la gestion des populations.

- Jeunes scientifiques formé.e.s dans le cadre du projet (17)

	M2	CDD	Thèses	Postdocs
Financement DevOCGen	2	2	2	2
Financement autre	3		9	2

- Dynamique collective : Journal club en ligne mensuel, 1 à 2 réunions en présentiel par an.
- Manifestations scientifiques : Conférence 'Conservation Genomics Paris' (2024), atelier au salon AdNatura (2024).

- Plusieurs M2, thèses, postdocs liés au projet encore en cours ou à venir.
- ERC EvoGenArch (P. de Villemereuil).
- ANR DemoMar (P.-A. Gagnaire).
- ANR RecentDemo (R. Leblois & G. Achaz, déposé).
- Participation au PEPR Dynabiod (E. Porcher, R. Rougerie, W. Thuiller).